

キャンペーン期間：2026年5月18日（月）～2026年8月4日（火）

「ライブラリ調製～シーケンス + データ解析込み」でこの価格！
ボリュームディスカウントも対応！！

※表示価格は税抜価格です

RNA-seq解析（GO・パスウェイ解析まで）			
DNBSEQ™（ストランド特異的,polyA,4Gb）	2.0万円 / サンプル	<ul style="list-style-type: none"> RNA抽出、rRNA除去からのご依頼も可能 国内シーケンス（NovaSeq™:真核生物） 左記仕様は代表例（NovaSeq™/DNBSEQ™やデータ量などご希望の選択が可能） QCでfailでも、再提出1回まで無償対応 受入：total RNA 4サンプル以上から解析を実施 ヒト・マウス・ラット以外は別途問合せ 	
NovaSeq™（ストランド特異的,polyA,6Gb）	2.5万円 / サンプル		
NovaSeq™（ストランド特異的,polyA,9Gb）	2.8万円 / サンプル		
シングルセル解析			
シングルセル RNA-seq解析	Cell Ranger解析まで	74万円 / 2サンプル	<ul style="list-style-type: none"> AIによる細胞種自動推定(オプション) 詳細説明を2回実施（裏面参照） ヒト・マウス以外は別途お問合せ 【シングルセルRNA-seq解析】 OCM法2-plexで2サンプル混合シーケンス 受入：分散済みの凍結細胞 出張ライブラリ調製も対応可能 【シングルセル遺伝子発現解析Flex】 受入：固定分散済み組織片・細胞、FFPE切片（固定・細胞分散の依頼も可能）
	GO・パスウェイ解析、擬似系譜解析まで + 詳細説明	130万円 / 2サンプル	
シングルセル 遺伝子発現Flex	Cell Ranger解析まで	144万円 / 4サンプル	
	GO・パスウェイ解析、擬似系譜解析まで + 詳細説明	248万円 / 4サンプル	
空間的遺伝子発現解析（GO・パスウェイ解析、着目領域の詳細解析まで） + 詳細説明			
Trekker（FFPE検体解析）	FFPEから解析 ・40,000核/サンプル	370万円 / 2サンプル	<ul style="list-style-type: none"> 詳細説明を2回実施（裏面参照） オプティマイズ試験費用が別途必要 ヒト・マウス以外は別途お問合せ（FFPE検体以外が対象） <div style="border: 1px solid red; padding: 5px; margin-top: 10px;"> <p style="text-align: center; color: red;">Trekkerの特徴</p> <ul style="list-style-type: none"> シングルセルと同程度の高感度な解析 スポット単位より高解像度な「細胞レベル」の物理的解像度 全ての真核生物に対応可能 全遺伝子を検出可能 </div>
Trekker（ベーシック解析）	新鮮凍結組織、OCT包埋組織から解析 ・20,000核/サンプル	370万円 / 2サンプル	
Trekker（高密度解析）	組織からの核回収率を高めることで、空間プロットの密度向上を実現 ・100,000核/サンプル	530万円 / 2サンプル	
Xenium 5K	in situ方式で5,000遺伝子を解析	500万円 / 2サンプル	<ul style="list-style-type: none"> 詳細説明を2回実施（裏面参照） Xenium v1、CosMx™、Stereo-seq™も対応 受入：FFPE ヒト・マウス以外は別途お問合せ
Visium HD	2 × 2μmの正方形グリッドにより高解像度解析	280万円 / 2サンプル	
WESがん変異解析（腫瘍組織のみ） Agilent SureSelect 腫瘍組織 12Gb ※税抜価格		7.1万円 / サンプル	<ul style="list-style-type: none"> De novo mutation signature 解析、新規 Driver gene候補推定、oncogenicパスウェイ解析まで 4サンプル以上から解析を実施 ヒト以外の生物種は別途お問い合わせ
ショットガンメタゲノム解析 リードベース機能推定、NovaSeq™6Gb ※税抜価格		34.2万円 9サンプルの場合	<ul style="list-style-type: none"> データ解析：宿主ゲノム由来リードの除去、系統分類、多様性解析、機能解析 アセンブリは別途お問い合わせ
		91万円 39サンプルの場合	

キャンペーン期間：2026年5月18日（月）～2026年8月4日（火）

お手元の生データから「**データ解析のみ**」のご依頼も可能です！

👉 解析手法と結果の「**詳細説明**」がアメリエフの特徴です
オンラインでレポートの詳細説明を実施、その場での質疑応答も可能
「レポートの結果解釈ができて満足した」というお客様も多く好評です



※表示価格は税抜価格です

RNA-seq解析 (GO・パスウェイ解析まで)			解析イメージ図 ※解析内容やプランで異なります	
データ解析 + 詳細説明	・受入：fastq(生データ)	1.9万円 / サンプル		
データ解析のみ		1.0万円 / サンプル	階層的クラスタリング Volcano Plot	
シングルセル解析 (GO・パスウェイ解析まで)				
データ解析 + 詳細説明	・データ解析 + 詳細説明の場合、 擬似系譜解析まで実施 ・受入：発現マトリクス (cellranger 出力結果) ・fastqからはオプション対応	28万円 / サンプル	Gene Ontology解析	パスウェイ解析
データ解析のみ		14万円 / サンプル		
空間的遺伝子発現解析 (GO・パスウェイ解析、着目領域の詳細解析まで)			クオリティ コントロール	クラスタリング
Trekker データ解析 + 詳細説明	・受入：一次解析済みデータ (cell ranger, space ranger 出力 結果など) ・測定生データからは対応不可の 場合あり ・CosMx™、Stereo-seq™も対応	30万円 / サンプル		組織画像上での クラスタの可視化
Xenium / Visium HD データ解析 + 詳細説明		43万円 / サンプル	擬似系譜解析	
WESがん変異解析 (De novo mutation signature 解析、 新規Driver gene候補推定、oncogenicパスウェイ解析まで)				
データ解析 + 詳細説明	・受入：fastq(生データ) ・腫瘍組織のみ ・ヒト以外は別途お問い合わせ	5.5万円 / サンプル	oncoplot	Driver gene 候補推定
ショットガンメタゲノム解析 (リードベース機能推定まで)				系統分類
データ解析 + 詳細説明	・受入：fastq(生データ) ・アセンブリは別途お問い合わせ ・宿主ゲノム由来リード除去、系 統分類、多様性解析、機能解析ま で	26.7万円 9サンプルの場合		
		39.4万円 39サンプルの場合		

※ 本チラシに記載されている会社名および商品名などは、各社の商号、または登録済みもしくは未登録の商標であり、これらは各所有者に帰属します。

お問い合わせ先

アメリエフ株式会社

〒108-0023

東京都港区芝浦 3-9-1

芝浦ルネサイトタワー 13階

publicity@amelieff.jp



https://amelieff.jp/enquiry/form_commissioned_26m/